

Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - Normaliserade skadegraden från frystest hos varje genotypad fröplanta

SND-ID: 2020-208-3. **Version:** 1. **DOI:** <https://doi.org/10.5878/0msc-3v36>

Ladda ner data

pheno_pop.txt (20.54 KB)

Tillhörande dokumentation

Data description and analysis_Archive.pdf (338.31 KB)

Data description and analysis_Bookmarks.pdf (189.2 KB)

Ladda ner alla filer

2020-208-3-1.zip (~548.05 KB)

Citering

Hall, D. (2021) Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - Normaliserade skadegraden från frystest hos varje genotypad fröplanta (Version 1) [Dataset]. Umeå universitet. Tillgänglig via: <https://doi.org/10.5878/0msc-3v36>

Skapare/primärforskare

[David Hall](#) - Umeå universitet, Ekologi Miljö och Geovetenskap

Forskningshuvudman

[Umeå universitet](#) - Ekologi Miljö och Geovetenskap

Beskrivning

I den här studien undersökte vi den lokala anpassningen av tidspunkten för invintring och den genetiska variationen hos naturligt tallbestånd i norra Europa. Det geografiska området av studien sträcker sig från Norge i väster till och Komi-regionen i västra Ryssland fram till Uralbergen. Drygt 5000 frön från 56 populationer såddes upp och utsattes för frystemperaturer för att skatta deras frosttolerans och variationen i egenskapen över det geografiska området av denna studie. Från 24 av dessa 56 populationer samlades barr för att extrahera DNA till genotypning för att också kvantifiera den genetiska variationen hos tall i norra Europa och för att undersöka om det finns en tydlig populationsstruktur. Dessutom skulle det studeras om det finns spår av lokal anpassning i den del av genomet som sekvenserades och om dessa spår går att koppla till variationen i frosttolerans.

Den uppmätta normaliserade skadegraden hos varje fröplanta efter exponering för köld. Innehåller även populationsnummer och såddnummer.

Data innefattar personuppgifter

Nej

Språk

[Engelska](#)

Tidsperiod(er) som undersökts

1985 - 2017

Variabler

4

Dataformat / datastruktur

[Numeriska](#)

[Text](#)

Geografisk utbredning

Geografisk plats: [Nordeuropa](#)

Geografisk beskrivning: Datat kommer från tallfrö som insamlats i Norge, Sverige, Finland, Archangelsk- och Komi- regionerna i Ryssland

Ansvarig institution/enhet

Ekologi Miljö och Geovetenskap

Forskningsområde

[Bioinformatik \(beräkningsbiologi\)](#) (Standard för svensk indelning av forskningsämnen 2011)

[Genetik](#) (Standard för svensk indelning av forskningsämnen 2011)

[Evolutionsbiologi](#) (Standard för svensk indelning av forskningsämnen 2011)

[Skogsvetenskap](#) (Standard för svensk indelning av forskningsämnen 2011)

[Biologi och ekologi](#) (INSPIRE topic categories)

[Geovetenskap](#) (INSPIRE topic categories)

[Miljö](#) (INSPIRE topic categories)

[Positionering](#) (INSPIRE topic categories)

Nyckelord

[Genetic population structure](#), [Population structure](#), [Population genetics](#), [Gbs](#), [Tall](#), [Pinus sylvestris](#)

Publikationer

Hall et al. 2021. Divergent pattern between phenotypic and genetic variation in Scots pine. Plant Communications

DOI: <https://doi.org/10.1016/j.xplc.2020.100139>

Om du publicerat något baserat på det här datamaterialet, [meddela gärna SND](#) en referens till din(a) publikation(er). Är du ansvarig för katalogposten kan du själv uppdatera metadata/databeskrivningen via DORIS.

Polygon (Lon/Lat)

4.21875, 71.045528819336

4.21875, 55.776573018668

65.828277734403, 55.776573018668

65.828277734403, 71.045528819336

4.21875, 71.045528819336

Tillgänglighetsnivå

Åtkomst till data via SND

Data är fritt tillgängliga

Användning av data

[Att tänka på vid användning av data som delas via SND](#)

Licens

[CC BY-SA 4.0](#)

Versioner

Version 1. 2021-01-29

Relaterade forskningsdata i SND:s katalog

[Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - 935 genotyper från 24 populationer av tall från Norra Europa](#)

[Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - 746 obesläktade genotyper från 24 olika populationer av tall från Norra Europa](#)

[Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - Miljövariabler och koordinater för varje population](#)

[Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - Resultatsprotokoll från frystet av fröplantorna](#)

Ladda ner metadata

[DataCite](#)

[DDI 2.5](#)

[DDI 3.3](#)

[DCAT-AP-SE 2.0](#)

[JSON-LD](#)

[PDF](#)

[Citering \(CLS\)](#)

[Filöversikt \(CSV\)](#)

Publicerad: 2021-01-29