

# Small non-coding RNA profiling across cellular and biofluid compartments and their implications for multiple sclerosis immunopathology

**SND-ID:** snd1150-1. **Version:** 1.0. **DOI:** <https://doi.org/10.5878/c1mq-9r62>

## Ladda ner data

Meta\_file\_sncRNAs\_analysis\_MS.txt (6.43 KB)

Meta\_file\_sncRNAs\_analysis\_MS.xlsx (15.61 KB)

readme.txt (1020 byte)

Unique molecular identifiers\_sncRNAs\_analysis\_MS.txt (94.28 MB)

Unique molecular identifiers\_sncRNAs\_analysis\_MS.xlsx (120.04 MB)

## Ladda ner alla filer

snd1150-1-1.0.zip (~214.34 MB)

## Citering

Zheleznyakova, G., Picket, E., Needhamsen, M., & Jagodic, M. (2021) Small non-coding RNA profiling across cellular and biofluid compartments and their implications for multiple sclerosis immunopathology (Version 1.0) [Dataset]. Karolinska Institutet. Tillgänglig via: <https://doi.org/10.5878/c1mq-9r62>

## Skapare/primärforskare

Galina Zheleznyakova - Karolinska Institutet, Institutionen för klinisk neurovetenskap

Eliane Picket - Karolinska Institutet, Institutionen för klinisk neurovetenskap

Maria Needhamsen - Karolinska Institutet, Institutionen för klinisk neurovetenskap

Maja Jagodic - Karolinska Institutet, Institutionen för klinisk neurovetenskap

## Forskningshuvudman

[Karolinska Institutet](#) - Institutionen för klinisk neurovetenskap

## Beskrivning

Små icke-kodade RNA (sncRNA) spelar en viktig roll i regleringen av olika processer i kroppen, särskilt i immunsystemet och kan lätt detekteras i kroppsvätskor. Projektets specifika syfte är att genomföra screening av små-icke-kodande RNA från perifert blod och cerebrospinalvätska hos MS-patienter i syfte att avslöja deras biologiska roll i MS och testa deras potential som nya MS-biomarkörer. Vi analyserade förändringarna i nivån av sncRNA i blod och cerebrospinalvätska hos patienter med MS (29) och kontroller (16). Patienter med olika former av MS inkluderades i analysen för att klargöra mekanismerna genom vilka sncRNA kan bidra till utvecklingen av en viss form av sjukdomen. Uppgifterna innehåller råinformation om molekyler för varje transkript.

För mer information se den engelska katalogsidan <https://snd.gu.se/en/catalogue/study/SND1150>

## Data innefattar personuppgifter

Nej

## Språk

[Engelska](#)

## Analysenhet

[Celler](#)

[Individ/patient/person](#)

## Population

Patienter med Multipel skleros (29), Kontroller (16)

## Studiedesign

Observationsstudie

## Beskrivning av studiedesign

Small non-coding RNAs were isolated from PBMC, plasma, CSF cells and CSF. The libraries were prepared as previously described (PMID: 27798564) and sequenced on two lanes of HiSeq2500. The data analysis was performed as previously described (PMID: 27798564).

## Urvalsmetod

[Icke-sannolikhetsurval](#)

## Studie kopplad till biobank

Ja

## Variabler

4

## Antal individer/objekt

176

## Dataformat / datastruktur

[Numeriska](#)

[Text](#)

## Datainsamling 1

- Insamlingsmetod: Fokusgrupp
- Datakälla: Biologiska prover

## Geografisk utbredning

Geografisk plats: [Sverige](#), [Stockholms län](#), [Stockholm kommun](#)

## Ansvarig institution/enhet

Institutionen för klinisk neurovetenskap

## Medverkande

Tomas Olsson - Karolinska Institutet, Institutionen för klinisk neurovetenskap

Faiez Al Nimer - Karolinska Institutet, Institutionen för klinisk neurovetenskap  
Patrick Scicluna - Karolinska Institutet, Institutionen för klinisk neurovetenskap  
Omid Faridani - Karolinska Institutet, Ludwig Institute for Cancer Research  
Michael Hagemann-Jensen - Karolinska Institutet, Ludwig Institute for Cancer Research  
Fredrik Piehl - Karolinska Institutet, Institutionen för klinisk neurovetenskap  
Mohsen Khademi - Karolinska Institutet, Institutionen för klinisk neurovetenskap  
Diana Ekman - National Bioinformatics Infrastructure Sweden

### **Finansiering 1**

- Finansiär: Neuroförbundet

### **Finansiering 2**

- Finansiär: Horizon 2020

### **Finansiering 3**

- Finansiär: Vetenskapsrådet

### **Finansiering 4**

- Finansiär: Swedish MS Foundation

### **Finansiering 5**

- Finansiär: Svenska Läkaresällskapet

### **Finansiering 6**

- Finansiär: AstraZeneca-Science for Life Laboratory collaboration

### **Finansiering 7**

- Finansiär: Region Stockholm

### **Finansiering 8**

- Finansiär: Hjärnfonden

### **Etikprövning**

Stockholm - dnr 2009/2107-31/2

### **Forskningsområde**

[Medicin och hälsovetenskap](#) (Standard för svensk indelning av forskningsämnen 2011)

### **Nyckelord**

[Multipel skleros](#), [Remitterande multipel skleros](#), [Small non-coding rna analysis](#), [Sekundär progressiv multipel skleros](#)

### **Publikationer**

Profiling of small non-coding RNAs across cellular and biofluid compartments: implications for multiple sclerosis immunopathology. Galina Yurevna Zheleznyakova, Eliane Piket, Maria Needhamsen, Michael Hagemann-Jensen, Diana Ekman, Mohsen Khademi, Faiez Al Nimer, Patrick Scicluna, Omid R Faridani, Tomas Olsson, Fredrik Piehl, Maja Jagodic. Deposited on bioRxiv.

<https://www.biorxiv.org/content/10.1101/2020.05.15.097519v1>

**DOI:** <https://doi.org/10.1101/2020.05.15.097519>

Om du publicerat något baserat på det här datamaterialet, [meddela gärna SND](#) en referens till din(a) publikation(er). Är du ansvarig för katalogposten kan du själv uppdatera metadata/databeskrivningen via DORIS.

### **Tillgänglighetsnivå**

Åtkomst till data via SND

Data är fritt tillgängliga

### **Användning av data**

[Att tänka på vid användning av data som delas via SND](#)

### **Versioner**

Version 1.0. 2021-04-08

### **Ladda ner metadata**

[DataCite](#)

[DDI 2.5](#)

[DDI 3.3](#)

[DCAT-AP-SE 2.0](#)

[JSON-LD](#)

[PDF](#)

[Citering \(CLS\)](#)

[Filöversikt \(CSV\)](#)

**Publicerad:** 2021-04-08

**Senast uppdaterad:** 2021-04-09